

Межрегиональная общественная организация
«Паразитологическое общество» Российской академии наук
Институт биологии южных морей имени А. О. Ковалевского РАН
Зоологический институт РАН



ШКОЛА по теоретической и морской ПАРАЗИТОЛОГИИ

**VIII Всероссийская
конференция с международным участием**

12–16 сентября 2022, г. Севастополь

Тезисы докладов

Севастополь
2022

УДК 595.32:575(470.1/.6)

Генетическое разнообразие нематод вида *Contracaecum rudolphii* Hartwich, 1964 (Anisakidae, Ascaridomorpha) в европейской части России

Борец Л. С.¹, Пронькина Н. В.², Спиридонов С. Э.¹

¹Институт проблем экологии и эволюции им А. Н. Северцова, Москва, Россия,
ludokromashka@yandex.ru

²Институт биологии южных морей им. А. О. Ковалевского РАН, Севастополь, Россия

Род *Contracaecum* Railliet & Henry, 1912 объединяет несколько десятков номинальных видов нематод, паразитирующих во взрослом состоянии у рыбоядных птиц и млекопитающих, и имеющих довольно сложный жизненный цикл для аскаридоморфных нематод. В качестве первого промежуточного хозяина служат ракообразные, тогда как вторым промежуточным хозяином являются рыбы. Использование т.н. «молекулярных» методов в систематике этих нематод выявило немало проблем: ошибочные определения видов, существование комплексов из нескольких криптических видов, синонимия. Виды, которые представляют собой комплекс генетически близких форм на данный момент не имеют полного научного описания и рассматриваются как оперативные таксономические единицы (OTU). Для таких OTU необходимо разработать методы определения и личинок, и взрослых нематод. Одним из таких «проблемных» видов является *Contracaecum rudolphii* Hartwich, 1964. Анализ последовательностей LSU rDNA, ITS rDNA и *CoxI* mtDNA показал, что определение личинок контрацекумов от рыб, собранных в окрестностях Лебяжьих островов, как *C. rudolphii* оказалось верным. По последовательностям LSU rDNA и ITS rDNA эти личинки оказались идентичными взрослым *C. rudolphii*, полученным от бакланов *Phalacrocorax carbo* в окрестностях Новороссийска. В то же время, отмечены нуклеотидные отличия по *CoxI* mtDNA между этими образцами. В филогенетических деревьях, построенных по *CoxI* mtDNA, формы из Черного моря образуют единую группу с *C. rudolphii* от бакланов Онежского озера, тогда как *C. rudolphii* из Астраханского заповедника и Монголии существенно от них отличаются.

Исследования выполнены при поддержке РФФ (№ 19-74-20147) и государственного задания № 121030100028-0.

Genetic diversity of *Contracaecum rudolphii* Hartwich, 1964 (Anisakidae, Ascaridomorpha) in European part of Russia

Borets L. S.¹, Pronkina N. V.², Spiridonov S. E.

¹Centre of Parasitology, A. N. Severtsov Institute of Ecology and Evolution, Russian Academy of Sciences,
Moscow, Russia, ludokromashka@yandex.ru;

²A. O. Kovalevsky Institute of Biology of the Southern Seas RAS, Sevastopol, Russia

Contracaecum rudolphii Hartwich, 1964 of parasitic nematodes is considered now as species complex containing several independent species. An analysis of LSU rDNA, ITS rDNA и *CoxI* mtDNA of *C. rudolphii* juveniles from marine fishes of Crimean coastal waters demonstrated their identity with adult nematodes from cormorans *Phalacrocorax carbo* from Novorossiysk (Black Sea port). In *CoxI* mtDNA tree all *C. rudolphii* sequences from European part of Russia were forming common clade, separate from the forms from Caspian Sea and Asian samples.